

★★★ 日本プロテオーム学会 (JPrOS/JHUP0) 学会通信第 244 号 ★★★

「質量分析インフォマティクス研究会」のお知らせ

日本プロテオーム学会会員の皆様

京都大学化学研究所の吉沢明康先生より「質量分析インフォマティクス研究会」開催のご連絡が届きましたので、以下にご案内申し上げます。

(本メールが読みにくい場合は、添付のプログラムをご覧ください)

日本プロテオーム学会事務局

日本プロテオーム学会会員の皆様

質量分析インフォマティクス研究会は、日本バイオインフォマティクス学会 (JSBi) の公募研究会として今年 2016 年 4 月に発足しました。会の目的は、質量分析データの解析に関わるインフォマティクス／情報学的研究を日本で推進することで、質量分析及びその関連分野の研究者と (バイオ) インフォマティクス研究者の交流を促進する活動を始めています。

そこで、本研究会の主催する交流促進活動の一環として、下記の通り第 1 回公開ワークショップを行います。ワークショップでは、プロテオミクス・メタボロミクス・グライコミクスなど、“質量分析計が主要な測定機器である”分野から、インフォマティクスのフル活用を前提にした実験系の構築・関連データベースの構築・解析ソフトウェアの開発など、幅広いテーマにわたって講師の先生方にご講演頂きます。

なお本研究会は JSBi の公募研究会ではありますが、異なった研究分野間の交流を促進することを目的にしているため、ワークショップ・研究会本体共に、参加条件は一切ありません (どこの学会に所属する方でも、或いはどこの学会にも所属しない方でも参加可能です。研究者以外の方の参加にも、基本的に制限はありません)。

質量分析データの解析手法に関心のある方、プロテオームの情報学的解析で難題を抱えている方、純粋な好奇心から関心を持たれた方など、幅広い分野・背景・動機の研究者 (など) の参加を歓迎します。

参加ご希望の方は、

<http://ms-bio.info/2016ws.html>

から参加登録をお願いします。

なお、研究会（もしくはメーリングリスト）への参加も歓迎しています。詳しくは
<http://ms-bio.info/>（または <http://www.ms-bio.info/>）
をご参照ください。

- 名称：質量分析インフォマティクス研究会・2016年ワークショップ
- テーマ：質量分析データ解析のための計算科学
- 日時：2016年10月7日（金）午後1時～（午後6時頃から懇親会を予定）
- 場所：JST 東京本部（サイエンスプラザ）住宅棟1階会議室（東京都千代田区四番町5-3）
- 費用：無料（懇親会参加の場合は実費徴収）

■プログラム：

[質量分析／メタボロミクス]

MassBank：質量分析インフォマティクスのデータ基盤
西岡 孝明（京都大学名誉教授）

[ソフトウェア]

Made in Japan のオープンソース・ソフトウェアを世界へ・・・－質量分析データ表示・解析
ソフト Mass++ の現状と今後の展望－
田中 聡（Trans-IT）

[プロテオミクス]

定量プロテオミクスプラットフォームのためのインフォマティクス
松本 雅記（九州大学 生体防御医学研究所 トランスオミクス医学研究センター プロテオミクス分野）

[データベース]

プロテオーム統合データベース jPOST: リポジトリの開発と今後
奥田 修二郎（新潟大学 大学院医歯学総合研究科）

[グライコミクス／グライコプロテオミクス]

Endoglycosidase と LC/MS/MS を用いたグライコプロテオーム解析
太田 悠葵（横浜市大生命医科学）

[総合討論]

進行表は、近日中に研究会の上記 web サイトにて公表します

■連絡先：ms.bio.info@gmail.com

■世話人：吉沢明康（京都大学化学研究所）・河野信（ライフサイエンス統合データベースセンター）
